

FIG. 6A

Nucleotide Sequence Between SalI and NcoI

CCATGGATAT	10	20	30	40	50	60	70
GGGCGAGGTGT			GCTCGCCCTGC	CGTATGATGG	CGATGACACC	CCATTTCGCC	CATATCTGTA
CGATTTGACA	80	90	100	110	120	130	140
TGTGATATGA			TTTAACATGT	GACATGATTT	AACATTTGTTT	AATACTGTG	CCATCATTTAC
CATAATTTAG	150	160	170	180	190	200	210
TAACGCATTT			AGTAACGCAT	TTGTAAAAAT	CATTGCGCCC	CTTTATGTGT	ATCATATGAA
TAGAATATTA	220	230	240	250	260	270	280
TGATTGTATC			TGATTATTTGT	ATCAGAAATGG	TGATGCTATA	TGATGATGCC	TACGAGTTGA
TTTGGGTTAA	290	300	310	320	330	340	350
TCACCTCTATG			ATTTGATATA	TTTTGAAACT	AATCTATTGA	CTTAAATCAC	CATATGGTTA
TAATTTAGCA	360	370	380	390	400	410	420
TAATGGTAGG			CTTTTGTAA	AAATCACATC	GCAATATTGT	TCTACTGTTA	CTACCATGCT
TGAATGACGA	430	440	450	460	470	480	490
TCCCAATCAC			CAGATTTCATT	CAAGTGATGT	GTTTGTATAC	GCACCATTTA	CCCTAATTAT
TTCAATCAAA	500	510	520	530	540	550	560
TGCCCTATGTC			AGCATGTATC	ATTTTTTTAA	GGTAAACCAC	CATGAATCAC	ATCTATAAAG
TCATCTTTAA	570	580	590	600	610	620	630
CAAAGCCACA			GGCACATTTTA	TGGCAGTGCC	AGAGTACGCC	AAATCCACACA	GCACGGGGGG

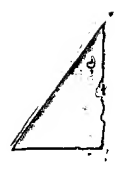


FIG. 6B

640	650	660	670	680	690	700
GGGGTAGCTG	TCCTACAGG	CAAGTTGCCA	GTGTATGCAC	TCTGAGCTTT	CCCCGTATTG	CCGGCTCGC
710	720	730	740	750	760	770
TGTCCTCGTG	ATCGGTGCAA	CGCTCAGTGG	CAGTGCTTAT	GCTCAAAAAA	AAGATACCBA	ACATATCGCA
780	790	800	810	820	830	840
ATTGGTGAAC	AAAACCAGCC	AAGACGCTCA	GGCACTGCCA	AGCGGACGG	TGATCGAGCC	ATTGCTATTG
850	860	870	880	890	900	910
GTGAAAATGC	TAACGCACAG	GGCGGTCAAG	CCATCGCCAT	CGGTAGTAGT	AATAAAACTG	TCAATGGAAG
920	930	940	950	960	970	980
CAGTTTGAT	AAGATAGGTA	CCGATGCTAC	GGGTCAAGAG	TCCATCGCCA	TCGGTGTGA	TGTAAGGCT
990	1000	1010	1020	1030	1040	1050
AGTGGTGATG	CCTCGATTGC	CATCGGTAGT	GATGACTTAC	ATTTGCTTGA	TCAGCATGGT	AATCCTA AAC
1060	1070	1080	1090	1100	1110	1120
ATCCGAAAGG	TACTCTGATT	AACGATCTTA	TTAACGGCCA	TGCAGTATTA	AAAGAAATAC	GAAGCTCAAA
1130	1140	1150	1160	1170	1180	1190
GGATAATGAT	GTAAAATATA	GACGCACAAC	CGCAAGCGGA	CACGCCAGTA	CTGCAGTGG	AGCCATGTCA
1200	1210	1220	1230	1240	1250	1260
TATGCACAGG	GTCATTTTTC	CAACGCCCTT	GGTACACGGG	CAACAGCTAA	AAGTGCCCTAT	TCCTTGCGCAG

FIG. 6C

1270	1280	1290	1300	1310	1320	1330
TGGGTCTTGC	CGCCACAGCC	GAGGCCAAT	CTACAATGCC	TATTGGTTCT	GATGCAACAT	CTAGCTCGTT
1340	1350	1360	1370	1380	1390	1400
GGGAGCGATTA	GCCCTTGGTG	CAGGTACTCG	TGCTCAGCTA	CAGGCGAGTA	TTGCCCTTAGG	TCAAGGTTCT
1410	1420	1430	1440	1450	1460	1470
GTTGTCACTC	AGAGTGATAA	TAAATTCTAGA	CCGGCCTATA	CACCAAAATAC	CCAGGCACTA	GACCCCAAGT
1480	1490	1500	1510	1520	1530	1540
TTCAAGCCAC	CAATAATACG	AAGCGGGTC	CACTTTCCAT	TGGTAGTAAC	TCTATCAAAC	GTAATAATCAT
1550	1560	1570	1580	1590	1600	1610
CAATGTCGGT	GCAGGTGTTA	ATAAAAACCGA	TGCGGTCAAT	GTGGCACACG	TAGAAGCGGT	GGTGAAGTGG
1620	1630	1640	1650	1660	1670	1680
GCTAAGGAGC	GTAGAATTAC	TTTTCAGGGT	GATGATAACA	GTA CTGACGT	AAAAATAGGT	TTGGATAATA
1690	1700	1710	1720	1730	1740	1750
CTTTAACTAT	TAAAGGTGGT	GCAGAGACCA	ACGCATTTAAC	CGATAATAAT	ATCGGTGTGG	TAAAAAGAGGC
1760	1770	1780	1790	1800	1810	1820
TGATAATAAGT	GGTCTGAAG	TTAAACTTGC	TAAAACTTTTA	AACAATCTTA	CTGAGGTGAA	TACAACTACA
1830	1840	1850	1860	1870	1880	1890
TTAAATGCCA	CAACCACAGT	TAAAGTAGGT	AGTAGTAGTA	GTA CTACAGC	TGAATTATTG	AGTGATAGTT